Avaliação do perfil genético de *Candida albicans* isoladas da cavidade bucal de crianças com síndrome de Down e pais e/ou responsáveis utilizando a amplificação randômica de DNA polimórfico (RAPD)

Evandro L. Ribeiro¹, Lara Stefânia N. T. O. L. Vasconcelos¹, Clever G. Cardoso², José Daniel G. Vieira¹, Géssica V. Oliveira¹, Igor Daniel A. Ribeiro¹, Adriano Luis F. Crocetti¹

¹IPTSP/UFG Rua 235 s/n Setor Universitário, 7400000 Goiânia, GO, Brasil.
E-mail: evandro0@terra.com.br.²ICB/UFG Campus Samambaia 7400000 Goiânia, GO, Brasil.
E-mail: clevergomes@gmail.com

Candida albicans é a espécie de fungo capaz de colonização a cavidade bucal de crianças com Síndrome de Down (CCSD). Uma das vias de disseminação de *Candida* é a relação entre pais e/ou responsáveis (P e/ou R) com a criança. O objetivo deste estudo foi observar a disseminação de *Candida albicans* pela verificação da similaridade genética entre cepas oriundas simultaneamente da boca de CCSD e as oriundas de pais e/ou responsáveis (P e/ou R), mediante o emprego de RAPD e uso dos *primers* RSD 10 e 12. A extração de DNA de *C. albicans* simultaneamente isolada de CCSD e P e/ou R foi feita de acordo com o método de Del Poeta *et al.*, 1999 and Casali *et al.*, 2003. A metodologia de RAPD foi realizada de acordo com Samaranayake *et al.*, 2003, com o uso de *primers* intra-específicos para análise do polimorfismo de *C. albicans*: RSD 10 5'-CCGCAGCC A-3' and RSD12 5'-GGTCCGTGTTTCAAGACG-3'. A partir do perfil de bandas, foi gerado uma matriz, os coeficientes de similaridade (coeficiente de Jaccard) e o dendograma dos isolados. Foram encontrados nove casos de simultaneidade de *C. albicans* entre CCSD e P e/ou R. A análise de similaridade genética entre os nove casos isolados demonstrou homologia genética, pelo coeficiente de Jaccard (coeficiente de similaridade 1), do fungo em dois (2/9) (22,2%) pares conjugados (16-16RF e 37-37RF) e similaridade genética (coeficiente de similaridade > 0,9) em outros dois (2/9) pares conjugados (22-22RF e 08-08RF). Similaridade genômica não foi presenciada nos outros (5/9) (55,5%) casos de *Candida* decorrentes de pai/mãe/criança portadora desta síndrome. A análise do polimorfismo genético dos pares de *C. albicans* bucais isolados de CCSD e P e/ou R sugere a transmissão intrafamiliar deste fungo entre as microbiotas bucais de pais e filhos portadores de Síndrome de Down além de indicar ocorrência de variações genéticas distantemente relacionadas em isolados presentes em alguns indivíduos (coeficiente de similaridade de 0,45).

Palavras-chave: *Candida albicans*, Síndrome de Down, RAPD