

Prevalência de micro-organismos produtores de carbapenemase KPC isolados no LACEN/GO

Cassiane Casanova¹; Ana B. M. Lima¹; Ana B. A. C. Cardoso¹, Carlos O. Porto¹; Larissa M. S. Deliberalli¹; Robmary M. Almeida¹; Wânia S. Ramos¹; Zânia P. A. C. M. Faria¹

¹Laboratório de Saúde Pública Dr. Giovanni Cysneiros – LACEN/GO, Av. Contorno, 3556, Setor Jardim Bela Vista, Goiânia-GO

INTRODUÇÃO: A resistência a carbapenêmicos é um grave problema de saúde pública de âmbito mundial, particularmente pela elevada mortalidade e pelo número reduzido de opções terapêuticas. A *Klebsiella pneumoniae* Carbapenemase (KPC) aparece como uma das carbapenemases de grande relevância pela sua rápida e ampla disseminação. **OBJETIVO:** Determinar a prevalência de micro-organismos produtores de carbapenemase KPC isolados de amostras clínicas de pacientes internados em unidades de saúde pública vinculados à Secretaria de Estado da Saúde de Goiás no período de janeiro/2013 a dezembro/2015. **MÉTODO:** A identificação e o perfil de suscetibilidade foram realizados por meio do sistema VITEK 2® (bioMérieux) associado aos testes bioquímicos manuais e disco-difusão (Kirby-Bauer). A triagem fenotípica para detectar possível produção de KPC foi executada por meio do teste de Hodge modificado. A genotipagem para confirmar presença de *blaKPC* em bactérias resistentes aos carbapenêmicos foi realizada por reação em cadeia da polimerase em tempo real pelo LAPIH/FIOCRUZ/RJ. **RESULTADOS:** Foram identificados 79 bactérias que albergam o gene *blaKPC* provenientes de diferentes amostras clínicas. Os micro-organismos isolados foram: 62 *Klebsiella pneumoniae* (78,4%), 6 *Pseudomonas aeruginosa* (7,5%), 4 *Enterobacter cloacae* (5,0%), 3 *Escherichia coli* (5,0%), 3 *Proteus mirabilis* (3,7%) e 1 *Citrobacter freundii* (1,2%). **CONCLUSÃO:** O monitoramento de micro-organismos produtores de *blaKPC* nas instituições de saúde se torna papel fundamental para reduzir a disseminação e transferência horizontal de genes codificadores de KPC. A implantação de um programa de controle de micro-organismos resistentes, com o uso racional de antimicrobianos e a conscientização multiprofissional são ferramentas importantes para a redução da resistência bacteriana nas instituições de saúde.

Palavra-Chave: genes MDR, resistência beta-lactâmica, *Enterobacteriaceae*

Apoio: Laboratório de Saúde Pública Dr. Giovanni Cysneiros (LACEN/GO), Secretaria de Estado da Saúde de Goiás (SES-GO).